

Service: Qualité des laboratoires

**MANUEL D'UTILISATION DU TOOLKIT :
EEQ MICROBIOLOGIE**
(Instructions pour les participants)

Date de mise à jour : 26/03/2019

Manuel d'utilisation du Toolkit : enquête Microbiologie

Se connecter d'abord au Toolkit: il y a deux manières pour ce faire:

- par le site web du service de Qualité des Laboratoires (https://www.wiv-isp.be/QML/index_fr.htm); ensuite sélectionner dans la colonne de gauche sous la rubrique « BIOLOGIE CLINIQUE » « TOOLKIT BIOLOGIE CLINIQUE »
- ou directement: <https://biocli.wiv-isp.be/toolkit/login/login.cfm>.

Ensuite introduisez votre numéro de labo et votre mot de passe (Fig. 1). Vous pouvez retrouver votre numéro de labo sur toute correspondance personnalisée que nous vous envoyons; le mot de passe est le même que celui que vous utilisez dans les autres programmes EEQ. Si vous ne connaissez pas ce mot de passe, vous pouvez le demander soit à votre directeur de labo (qui a reçu il y a quelques années une lettre mentionnant ce mot de passe) soit à vos collègues d'autres programmes EEQ ou envoyer une demande par e-mail à EQAtoolkit@sciensano.be après quoi nous vous enverrons en retour un e-mail qui reprendra le mot de passe de votre laboratoire.

Ensuite vous cliquez sur la flèche  pour vous connecter (Fig. 1).



sciensano

EKE/EEQ Toolkit

 Labonummer/Numéro labo

 Wachtwoord/Mot de passe



Fig. 1

A la page suivante vous choisissez le domaine « MICROBIOLOGIE » dans la liste déroulante (Fig. 2).

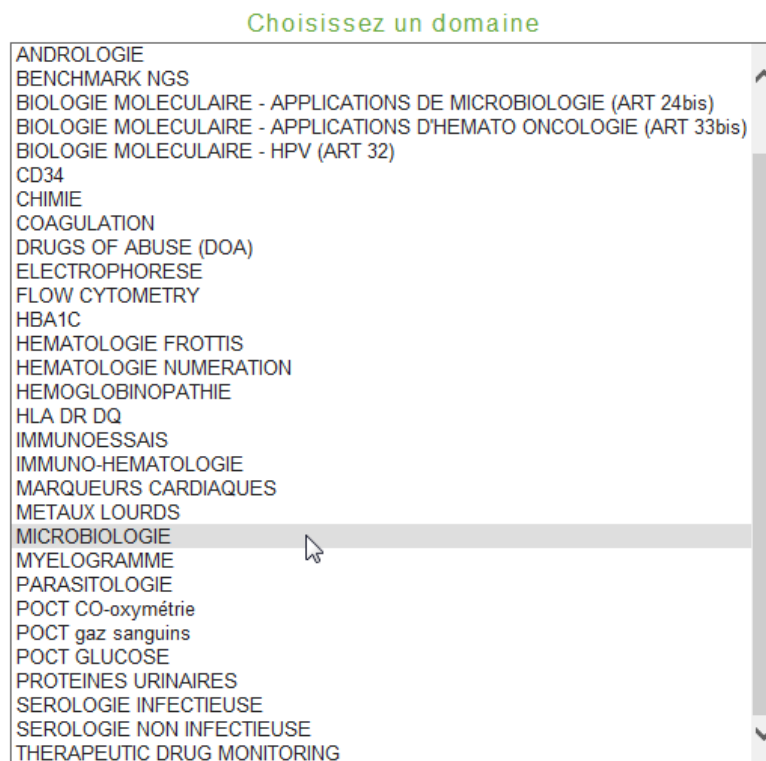


Fig. 2

A la page suivante choisir « Entrer résultats » (Fig. 3).

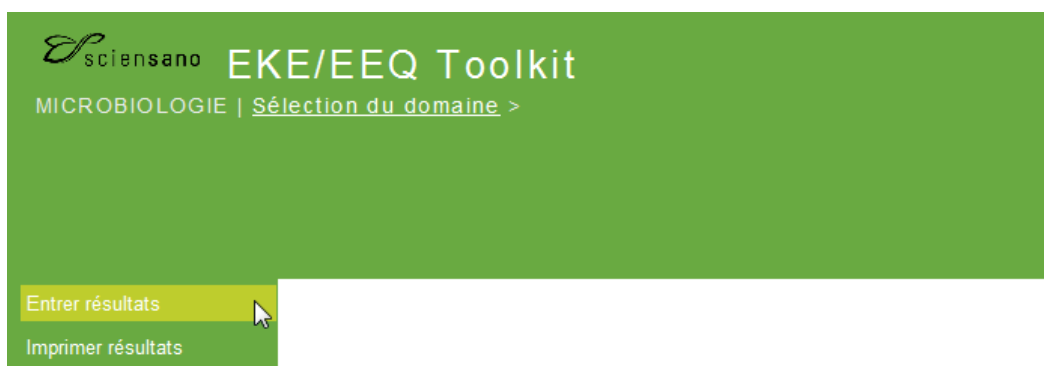


Fig. 3


A la page suivante (Fig. 4), vous pouvez choisir, à l'aide des listes déroulantes, l'enquête et l'échantillon. Le plus simple est de choisir « Tous les échantillons de cette enquête », mais vous pouvez choisir chaque échantillon séparément si vous le souhaitez. Après avoir fait votre choix, vous cliquez sur l'icône  ("Soumettre") (Fig. 4).



Fig. 4

Vous arrivez à la page où vous pouvez introduire vos résultats (Fig. 5). En haut de page : remplir la « Date de réception » de l'échantillon à l'aide d'une liste déroulante. S'il y a plusieurs échantillons par enquête, vous ne devez introduire ces données qu'une fois; le système les enregistre et les fait apparaître automatiquement pour l'(les) échantillon(s) suivant(s). Vous pouvez également prendre connaissance de la date de clôture de l'enquête.

MICROBIOLOGIE > 2018/2 > Tous les échantillons

Date
16/04/2018

Date de réception

Date de clôture
30/04/2018

Fig. 5

Vous pouvez maintenant introduire les résultats par échantillon (l'information clinique est également reprise) (Fig. 6).

Il vous est d'abord demandé d'introduire votre méthode d'identification par germe à l'aide d'une liste déroulante (Fig. 6).

M/6687 (Hémoculture)

Frottis de gorge d'un garçon de 3 ans; clinique relatée chez le généraliste: fièvre et mal de gorge.

Nous vous demandons de traiter l'échantillon comme en routine : répondre l'identification jusqu'au niveau où vous répondez en routine.

Germe #1

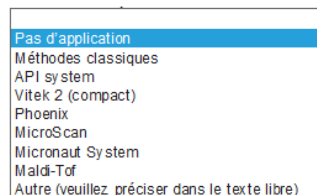


Fig. 6

Si vous avez utilisé plusieurs techniques pour l'identification d'un germe donné, vous pouvez choisir « Autre » (Fig. 6) et le préciser dans le texte libre en bas de page (Fig. 32).

Pour introduire l'interprétation proprement dite, vous pouvez faire votre choix à partir d'une liste qui reprend plusieurs possibilités; il suffit de cocher la réponse de votre choix (Fig. 7).

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification ?
Méthodes classiques

Identification?

Pas de croissance
 Sous traitée
 Absence de pathogènes
 Présence de commensaux
 Identification partielle
 Identification complète
 Autre

Si identification partielle?

Pas de croissance
 Gram + coques
 Gram - coques
 Gram + bacilles
 Gram - bacilles
 Gram - bacilles, non fermentants
 Gram - bacilles, groupe HACEK
 Anaérobies
 Moisissure
 Levure
 Autre

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Fig. 7

Si vous choisissez les options « Pas de croissance », « Sous-traitée », « Absence de pathogènes », « Présence de commensaux » ou « Autre », les sous-options sous-jacentes pour « Identification partielle » ou « Identification complète » restent grises (il vous est donc impossible de les cocher) (Fig. 7). Si vous choisissez « Autre », nous vous demandons de le préciser dans le texte libre en bas de page (Fig. 32). Si vous choisissez l'option « Identification partielle », vous pourrez cocher votre choix dans la liste (les sous-options deviennent noir à la place de gris) (Fig. 8).

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification ?
Méthodes classiques

Identification?

Pas de croissance
 Sous traitée
 Absence de pathogènes
 Présence de commensaux
 Identification partielle
 Identification complète
 Autre

Si identification partielle?

Pas de croissance
 Gram + coques
 Gram - coques
 Gram + bacilles
 Gram - bacilles
 Gram - bacilles, non fermentants
 Gram - bacilles, groupe HACEK
 Anaérobies
 Moisissure
 Levure
 Autre

Fig. 8

Si vous choisissez l'option « Identification complète », vous pourrez introduire le « Genre », l'« Espèce » et la « Sous-espèce » éventuelle (Fig. 9).

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification ?
Maldi-Tof

Identification?

Pas de croissance

Sous traitée

Absence de pathogènes

Présence de commensaux

Identification partielle

Identification complète

Autre

Si identification partielle?

Pas de croissance

Gram + coques

Gram - coques

Gram + bacilles

Gram - bacilles

Gram - bacilles, non fermentants

Gram - bacilles, groupe HACEK

Anaérobies

Moisissure

Levure

Autre

Si identification complète?

Genre: DECHLOROMONAS Espèce: dénitrifiants Sous-espèce:

Fig. 9

Ceci s'effectue sur base de listes déroulantes: la liste s'ouvre dès que vous introduisez une lettre; plus grand le nombre de lettres vous introduisez, plus petite devient la liste (Fig. 10, Fig. 11).

Si identification complète?

Genre: X Espèce: Sous-espèce:

Envoyez-vous l'échantillon en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Non

Oui

Si oui

de

p

p

Réinitialiser

- XANTHOBACTER
- XANTHOMONAS
- XENOPHILUS
- XENORHABDUS
- XYLANIBACTERIUM
- XYLANIMICROBIUM
- XYLANIMONAS
- XYLELLA
- XYLOPHILUS
- XYNOPHILA

Fig. 10

Si identification complète?

Genre: XY Espèce: Sous-espèce:

Envoyez-vous l'échantillon en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Non

Oui

Si oui

de

- XYLANIBACTERIUM
- XYLANIMICROBIUM
- XYLANIMONAS
- XYLELLA
- XYLOPHILUS
- XYNOPHILA

Fig. 11

Après que vous ayez introduit le « Genre », il vous est possible d'introduire de la même façon l'« Espèce » et la « Sous-espèce » éventuelle. Pour chaque genre vous avez la possibilité de répondre « species » (Fig. 12).

Identification complète
 Autre

Si identification partielle?

Pas de croissance
 Gram + coques
 Gram - coques
 Gram + bacilles
 Gram - bacilles
 Gram - bacilles, non fermentants
 Gram - bacilles, groupe HACEK
 Anaérobies
 Moisissure
 Levure
 Autre

Si identification complète?

Genre:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Espèce:

Sous-espèce:

Fig. 12

Pour certains genres nous avons également prévu des espèces inexistantes, mais qui sont des termes couramment utilisés tels que, "Coagulase negative *staphylococcus*" (Anglais), "*Candida non-albicans*" ou "*Clostridium non-difficile*".

Nous avons également prévu quelques cas spéciaux:

- 1) pour les *Streptococcus* species, il existe la possibilité de répondre le « Séro groupe » (Fig. 13).

Si identification complète?

Genre:

Espèce:

Sous-espèce:

Sérogroupe:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Non
 Oui

Si oui

dans un laboratoire de référence
 pour confirmer l'identification
 pour d'autres tests (veuillez les mentionner dans le commentaire)

Est-ce que cet échantillon présente un intérêt d'un point de vue

Epidémiologique
 D'hygiène

Soumettre :

Réinitialiser échantillon

M/15832 (Echantillon de référence)

Frottis de gonococcie (pseudomembre)

Nous vous recommandons de traiter l'échantillon comme en routine : répondre l'identification systématique.

Ceci est un échantillon non groupable

Fig. 13

2) idem pour la *Neisseria meningitidis* (Fig. 14).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Sérogroupe:

Envoyez-vous en routine à un autre laboratoire (de référence)?

Non Oui

Si oui

dans un but épidémiologique

pour confirmation de l'ID et/ou l'AB

pour d'autres raisons (veuillez les mentionner dans le commentaire)

Est-ce que cet isolat a un intérêt d'un point de vue

Epidémiologique

D'hygiène hospitalière

Fig. 14

3) et pour l'*Haemophilus influenzae* (Fig. 15).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Sérogroupe:

Envoyez-vous en routine à un autre laboratoire (de référence)?

Non Oui

Si oui



dans un but épidémiologique

pour confirmation de l'ID et/ou l'AB

pour d'autres raisons (veuillez les mentionner dans le commentaire)

Fig. 15

4) Pour les *Salmonella* nous n'avons retenu que les groupes A à F, les autres groupes sont regroupés sous « Other ». Vous pouvez choisir avec quels groupes vous avez effectué une agglutination et si elle était positive ou négative. Dans l'exemple ci-dessous (Fig. 16) nous avons choisi une agglutination avec A ou E mais pas avec B ou F.

Les boutons  ou  vous permettent d'introduire que toutes les agglutinations testées étaient respectivement positives ou négatives.

Si vous n'avez effectué aucune agglutination, il suffit de cocher la case concernée.

Le bouton avec les 2 flèches  vous permet de faire un « reset ».

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

A B C D E F Other

Tous oui:

Tous non:

A or E and not B or F

Aucune agglutination effectuée


Réinitialiser: 

Fig. 16

Si l'échantillon est originaire des selles, la possibilité existe pour répondre les *E. coli* pathogènes (Fig. 17).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Sérogroupe: Serotype:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence)?

Non

Oui

Fig. 17

Après la sélection du « Sérogroupe » (Fig. 17), il vous est possible d'introduire le « Sérotipe » (Fig. 18).

Gram + bacilles

Gram - bacilles

Gram - bacilles, non fermentant

Gram - bacilles, groupe HACEK

Anaérobies

Moisissure

Levure

Autre

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Sérogroupe: Serotype:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence)?

Fig. 18

- 5) Si l'échantillon concerne la recherche de *Clostridium difficile*, il vous est également demandé d'introduire le résultat de la détection de la (des) toxine(s) (Fig. 19).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Ajouter méthode :

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence)?

Fig. 19

En plus du résultat de la détection de la (des) toxine(s), nous vous demandons également d'introduire le « Fabricant » et la « Trousse » que vous utilisez; vous choisissez d'abord le « Fabricant » (Fig. 20):

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Ajouter méthode :

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence)?

Non

Oui

Si oui

dans un but épidémiologique

pour confirmation de l'identification

pour d'autres raisons (laboratoire)

Fig. 20

et puis vous pouvez choisir par fabricant la « Trousse » (Fig. 21).

Si vous ne retrouvez pas votre fabricant et/ou trousses dans les listes déroulantes, vous pouvez répondre « Other » (Fig. 21); dans ce cas nous vous demandons de préciser ce « Other » dans le texte libre en bas de page (Fig. 32).

Si identification complète?

Genre: CLOSTRIDIUM Espèce: difficile BD ColorPAC Toxin A Test kit

Fabricant: BECTON DICKINSON Trousse: Other



Ajouter méthode : 

Fig. 21

Si vous utilisez plus d'une méthode pour la détection de la (des) toxine(s), vous pouvez l'ajouter par le bouton  (Fig. 22).

Si identification complète?

Genre: CLOSTRIDIUM Espèce: difficile BD ColorPAC Toxin A Test kit

Fabricant: BECTON DICKINSON Trousse: Other


Ajouter méthode : 


Fig. 22

Il vous est maintenant possible d'introduire un deuxième fabricant et trousses (Fig. 23).

Si identification complète?

Genre: CLOSTRIDIUM Espèce: difficile Toxine: A

Fabricant: BECTON DICKINSON Trousse: BD ColorPAC Toxin A Test kit

Fabricant: Trousse: Supprimer méthode : 



Ajouter méthode : 


Fig. 23

Vous pouvez ajouter plusieurs méthodes. Si après réflexion, vous ne souhaitez quand-même pas mentionner une méthode, vous pouvez la supprimer à l'aide du bouton avec la poubelle  (Fig. 24).

Si identification complète?

Genre: CLOSTRIDIUM Espèce: difficile Toxine: A

Fabricant: BECTON DICKINSON Trousse: BD ColorPAC Toxin A Test kit

Fabricant: Trousse: Supprimer méthode : 


Ajouter méthode : 


Fig. 24

Si vous identifiez plus d'un germe dans un échantillon, le bouton  (« Ajouter germe ») (en haut à droite à côté du numéro d'échantillon) vous permet d'ajouter un 2^e germe (Fig. 25).

M/15752 (Hémoculture)

Fig. 25

Ajouter germe : 

Maintenant apparait « Germe 2 », que vous pouvez répondre de la même façon que le 1^e germe. Si après réflexion, vous ne souhaitez pas répondre ce germe, vous pouvez le supprimer à l'aide du bouton  (« Supprimer germe ») (en haut à droite à côté de « Germe 2 ») (Fig. 26).

Germe #2

Technique utilisée pour l'identification ?

Identification?

Pas de croissance
 Sous traitée
 Absence de pathogènes
 Présence de commensaux
 Identification partielle
 Identification complète
 Autre

Si identification partielle?

Pas de croissance
 Gram + coques
 Gram - coques
 Gram + bacilles
 Gram - bacilles
 Gram - bacilles, non fermentants
 Gram - bacilles, groupe HACEK
 Anaérobies
 Moisissure
 Levure
 Autre

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Fig. 26

De la même façon vous pouvez ajouter un 3^e, 4^e,... germe.

Ensuite nous vous demandons de répondre à la question de savoir si en routine vous enverriez un tel échantillon à un autre laboratoire (de référence). Au cas où vous répondriez « Oui », vous devez également indiquer la raison. Vous pouvez cocher plusieurs options; si vous cochez « Pour d'autres raisons » (Fig. 27) nous vous demandons de le préciser dans le texte libre en bas de la page (Fig. 32).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Sous-espèce:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Non
 Oui

Si oui

dans un but épidémiologique
 pour confirmation de l'ID et/ou l'AB
 pour d'autres raisons (veuillez les mentionner dans le commentaire)

Fig. 27

Ensuite nous vous demandons de répondre à la question sur le possible intérêt du germe (Fig. 28). Si le germe n'a pas d'intérêt, vous pouvez laisser ouverte cette question.

Est-ce que cette souche a un intérêt d'un point de vue

Epidémiologique
 D'hygiène hospitalière

Fig. 28

Vous pouvez maintenant introduire les résultats des autres échantillons de l'envoi de la même manière.

Vous pouvez à tout moment réinitialiser vos résultats pour un échantillon donné à l'aide du bouton avec les 2 flèches (Fig. 29).


Réinitialiser échantillon : 

Fig. 29

Si des frottis font partie de l'EEQ, ils sont repris sur cette même page:

- s'il s'agit d'une coloration de Gram, vous trouverez les différentes options de réponse dans une liste où vous pouvez indiquer votre réponse (Fig. 30).

Code réponse:

Coques à Gram positif
Coques à Gram négatif
Coques à Gram variable
Bacilles à Gram positif
Bacilles à Gram négatif
Bacilles à Gram variable
Levures
Absence de germes

Fig. 30

- s'il s'agit de frottis d'une coloration acido-résistante, vous devez introduire aussi bien la (les) méthode(s) utilisée(s) que les résultats (Fig. 31).

Si vous n'avez pas analysé les frottis acido-résistants dans votre laboratoire, vous pouvez évidemment laisser ouvert ces champs.

En cliquant sur la touche Ctrl au moment d'introduire vos réponses, il est possible de donner plusieurs réponses en même temps pour les frottis. Vous pouvez de cette façon également décocher des résultats.

Lames

Les laboratoires qui se sont inscrits à l'EEQ d'examen microscopique pour la recherche de Mycobactéries reçoivent, à l'occasion de cette enquête 1 d'expectoration. **Veillez examiner au moins 100 champs.**

Code méthode:

Méthode acido-alcoolo-résistante: Ziehl-Neelsen
Méthode acido-alcoolo-résistante: Ziehl-Neelsen à froid (Kinyoun)
Méthode acido-alcoolo-résistante: Tan-Tiam-Hok
Méthode acido-alcoolo-résistante: Quick TB kit Ral (Armand)
Méthode acido-alcoolo-résistante: autre (veuillez spécifier dans le texte libre)
Méthode de fluorescence: Auramine
Méthode de fluorescence: Acridine
Méthode de fluorescence: autre (veuillez spécifier dans le texte libre)
Autre (veuillez spécifier dans le texte libre)

M/15834

Code réponse:


Négatif
Positif, rares : 1 – 9 bacilles alcolo-acidorésistants/100 champs
Positif 1 + : 10 – 99 bacilles alcolo-acidorésistants/100 champs
Positif 2 + : 1 – 10 bacilles alcolo-acidorésistants/champ
Positif 3 + : > 10 bacilles alcolo-acidorésistants/champ

Fig. 31

Le texte libre en dessous de « Commentaire pour identifications » (Fig. 32) vous permet d'introduire des remarques, éclaircissements,... concernant les identifications dans leur totalité.

Commentaire pour identifications



Fig. 32

Après avoir répondu à toutes les questions concernant les identifications, cliquer sur le bouton avec la flèche  (« Soumettre et aller aux antibiogrammes ») pour passer à la page suivante et pour introduire les résultats des antibiogrammes (Fig. 33).

Soumettre et aller aux antibiogrammes :



Fig. 33

Si vous souhaitez effectuer des modifications à vos réponses concernant les identifications, il vous est possible de retourner à cette page grâce au bouton  (« Retour aux identifications ») (Fig. 34). Remarquez que si vous avez déjà introduit des résultats pour les antibiogrammes, il faut d'abord cliquer sur  (« Soumettre ») avant de retourner, sinon ces réponses ne seront pas enregistrées.




Retour aux identifications (*) :  *L'antibiogramme ne sera enregistré qu'après avoir cliqué sur soumettre. Soumettre : 

Fig. 34

Vous pouvez maintenant introduire les résultats des antibiogrammes. La page est 'ouverte' sur le premier antibiotique de la liste pour le premier échantillon (Fig. 35).

Pénicillines > Pénicilline

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information		Resultat	
Charge	<input type="text"/>	Diamètre	= <input type="text"/>
Méthode	<input type="text"/>	Brut:	<input type="text"/>
Directive:	<input type="text"/>	Expert:	<input type="text"/>
Année:	<input type="text"/>	Final:	<input type="text"/>

Détermination de la CMI

Information		Resultat	
Méthode:	<input type="text"/>	Détermination de la CMI:	= <input type="text"/>
Directive:	<input type="text"/>	Brut:	<input type="text"/>
Année:	<input type="text"/>	Expert:	<input type="text"/>
Lot number:	<input type="text"/>	Final:	<input type="text"/>


Soumettre : 

Fig. 35

Vous pouvez introduire un résultat pour les « Tests de diffusion », la « Détermination de la CMI » ou les deux. Veuillez noter que si vous introduisez une réponse pour un des éléments d'un des deux principes de détermination pour un antibiotique donné, vous serez obligé de répondre à tous les éléments de ce principe (Fig. 36, Fig. 37) (à l'exception de la case « Expert » ; ceci vous pouvez éventuellement le laisser ouvert). Il existe quelques exceptions : 1) la méthode « *Cette souche est envoyée à un autre laboratoire et/ou centre de référence* » où vous ne pouvez évidemment pas fournir de résultats et donc vous pouvez laisser ouvert toutes les autres cases et 2) la méthode « *Vancoscreen agar* » et la méthode « *Milieu de dépistage pour l'oxacilline ou la méthicilline* » pour lesquels il vous est évidemment impossible d'introduire une « Charge » et un « Diamètre ».

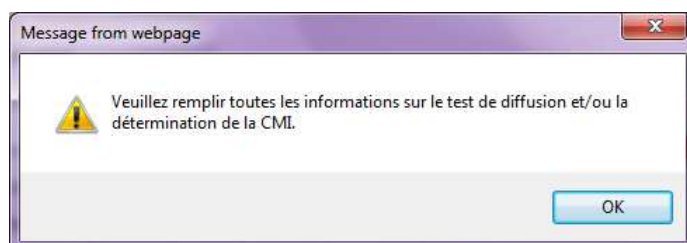


Fig. 36

Pénicillines > Oxacilline

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : Reprendre les données générales de l'AB précédent :

Tests de diffusion

Information

Charge: 12

Méthode: [redacted]

Directive: [redacted]

Année: [redacted]

Resultat

Diamètre: [=] [redacted]

Brut: [redacted]

Expert: [redacted]

Final: [redacted]

Détermination de la CMI

Information

Méthode: [redacted]

Directive: [redacted]

Année: [redacted]

Lot number: [redacted]

Soumettre :

Resultat

Détermination de la CMI: [=] [redacted]

Brut: [redacted]

Expert: [redacted]

Final: [redacted]

Fig. 37

La « Méthode », la « Directive », l'« Année » (de la directive) et le résultat « Brut », « Expert » et « Final » peuvent tous être introduits à l'aide de listes déroulantes.

La figure ci-dessous montre l'exemple des méthodes de « Tests de diffusion ». Si vous utilisez une combinaison de plusieurs directives, vous pouvez répondre « Autre » (Fig. 38) et le préciser dans le texte libre en bas de page (Fig. 51).

M/16071

Pénicillines > Pénicilline

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode :

Tests de diffusion

Information

Charge: [redacted]

Méthode: [redacted]

Directive: [redacted]

Année: [redacted]

Resultat

Diamètre: [=] [redacted]

Brut: [redacted]

Expert: [redacted]

Final: [redacted]

Détermination de la CMI

Information

Méthode: [redacted]

Directive: [redacted]

Année: [redacted]

Lot number: [redacted]

Soumettre :

Resultat

Détermination de la CMI: [=] [redacted]

Brut: [redacted]

Expert: [redacted]

Final: [redacted]

Disques en papier: Becton Dickinson
 Disques en papier: Oxoid
 Disques en papier: Biorad
 Disques en papier: i2a
 Disques en papier: Autre (veuillez remplir le nom dans le texte libre)
 Tablettes Rosco: charge classique (Neosensitabs) ("old")
 Tablettes Rosco: charge nouvelle ("new") (tubes avec ressort)
 Sirscan: tablettes Rosco: charge classique (Neosensitabs) ("old")
 Sirscan: tablettes Rosco: charge nouvelle ("new") (tubes avec ressort)
 Sirscan: disques en papier (i2a)
 Osiris
 Adagio
 Vancoscreen agar
 Milieux de dépistage pour l'oxacilline ou la méthicilline (remplir milieu et fabricant: texte libre)
 Autre (veuillez remplir la méthode dans le texte libre)
 Cette souche est envoyée à un autre laboratoire et/ou un centre de référence

Fig. 38

Les cases à côté de « Diamètre » et « Détermination de la CMI » vous permettent de choisir les opérateurs : =, <, >, ≤ et ≥ (Fig. 39).

Resultat

Diamètre

[=] [redacted]

<

<=

=

>=

>

Resultat

Détermination de la CMI:

[=] [redacted]

<

<=


=

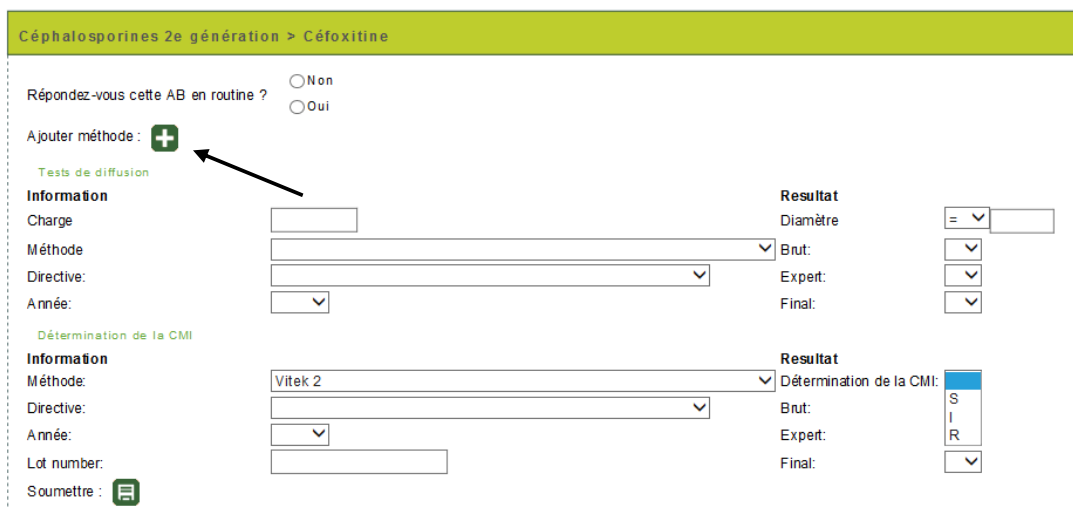
>=

>

Fig. 39


Dans les cases pour la « Charge », le « Diamètre » et la « Détermination de la CMI » vous devez introduire des valeurs numériques; à l'exception pour les appareils qui disposent d'une méthode de dépistage (« screening ») pour la céfoxitine; dans ce cas nous ne vous demandons pas de répondre une valeur quantitative ; dans la case « Détermination de la CMI » vous devez remplir le résultat du dépistage (S, I ou R) (Fig. 40).

Si vous désirez introduire pour ce même antibiotique les résultats d'une deuxième méthode de « Tests de diffusion » et de « Détermination de la CMI », ou si vous avez mis en évidence un germe avec un autre phénotype antibiotique, vous pouvez cliquer sur l'icône  (« Ajouter méthode ») (Fig. 40).



Céphalosporines 2e génération > Céfoxitine

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information

Charge:

Méthode:

Directive:

Année:

Resultat

Diamètre: =

Brut:

Expert:

Final:

Détermination de la CMI

Information

Méthode: Vitek 2

Directive:

Année:

Lot number:

Resultat

Détermination de la CMI:

Brut:

Expert:

Final:


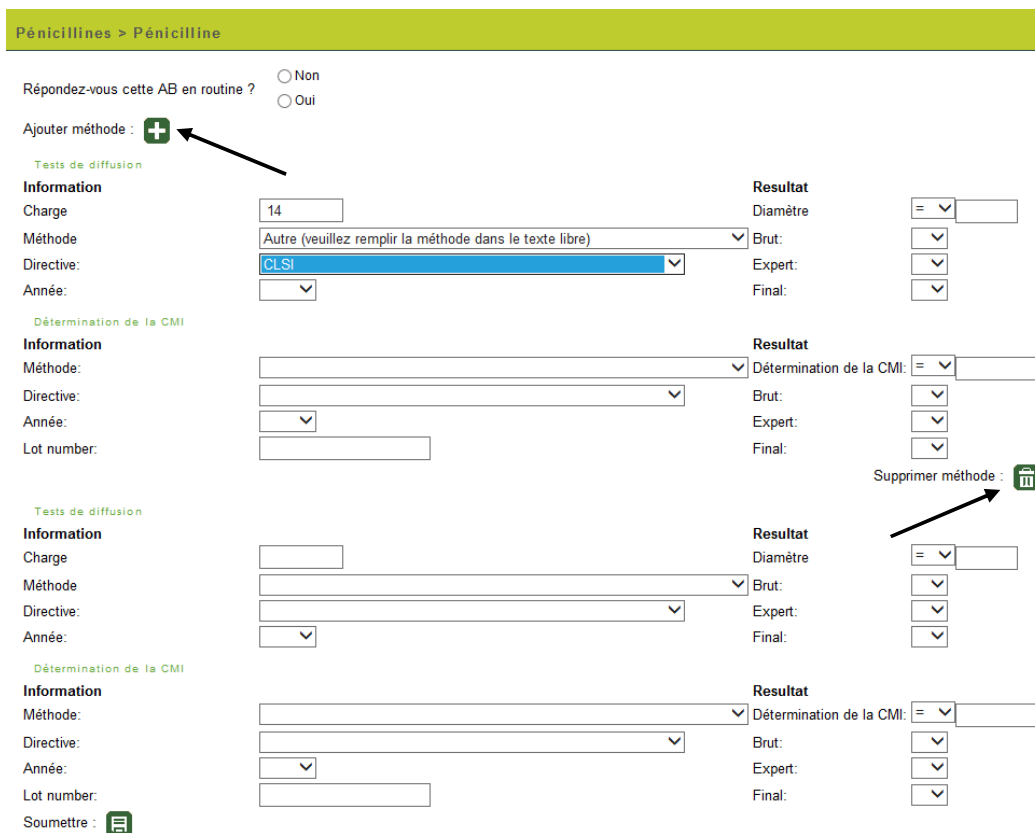
Soumettre : 


Fig. 40

Il s'ouvre [maintenant](#) un deuxième champ pour répondre les résultats des méthodes de diffusion et CMI (Fig. 41).



Pénicillines > Pénicilline

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information

Charge: 14

Méthode: Autre (veuillez remplir la méthode dans le texte libre)

Directive: CLSI

Année:

Resultat

Diamètre: =

Brut:

Expert:

Final:

Détermination de la CMI

Information

Méthode:

Directive:

Année:

Lot number:


Resultat

Détermination de la CMI: =

Brut:

Expert:

Final:

Supprimer méthode : 

Tests de diffusion

Information

Charge:

Méthode:

Directive:

Année:

Resultat

Diamètre: =

Brut:

Expert:

Final:

Détermination de la CMI

Information

Méthode:

Directive:

Année:

Lot number:



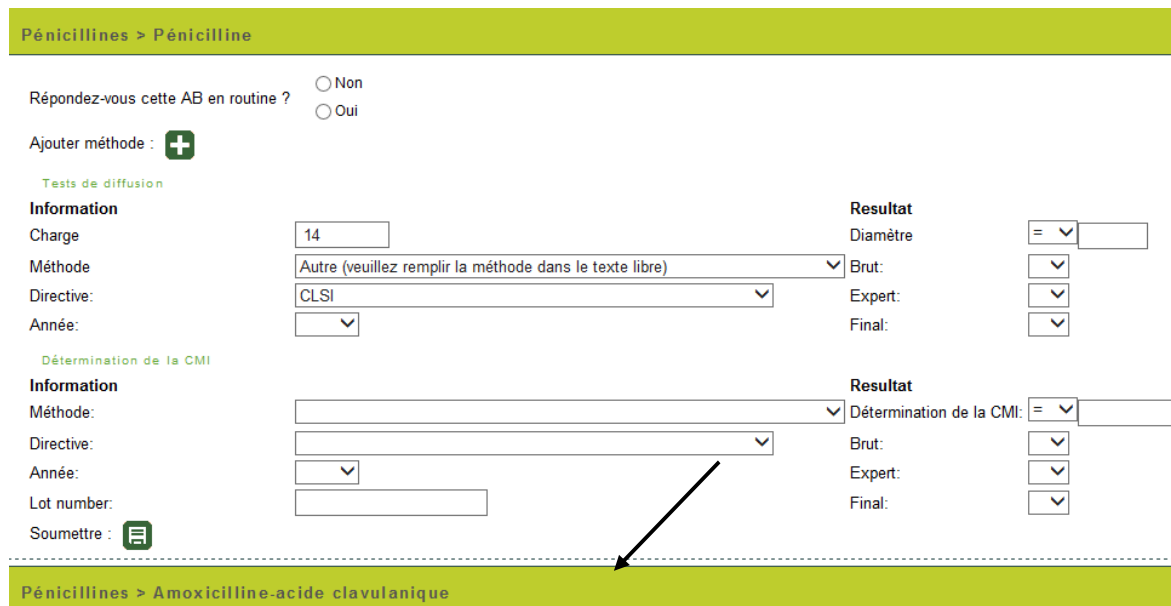
Soumettre : 

Fig. 41

Si après réflexion, vous ne souhaitez quand-même pas de répondre une 2^e méthode, vous pouvez le supprimer à l'aide du bouton avec la poubelle  (« Supprimer méthode ») (Fig. 41).


Le bouton  (« Ajouter méthode ») vous permet également d'introduire une 3^e, 4^e,...méthode (Fig. 41).

Après avoir introduit vos résultats pour le 1^e AB, cliquez sur le deuxième (Fig. 42).



Pénicillines > Pénicilline

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information

Charge: 14

Méthode: Autre (veuillez remplir la méthode dans le texte libre)

Directive: CLSI

Année: [dropdown]

Resultat

Diamètre: [=] [input]

Brut: [dropdown]

Expert: [dropdown]

Final: [dropdown]

Détermination de la CMI


Information

Méthode: [dropdown]

Directive: [dropdown]

Année: [dropdown]

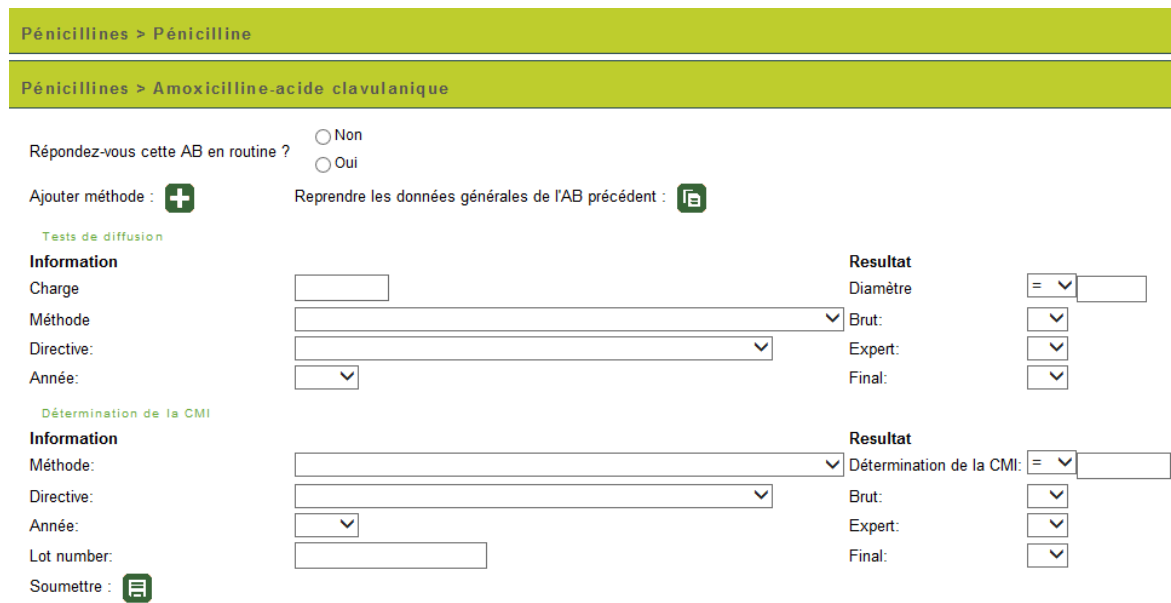
Lot number: [input]

Soumettre : 

Pénicillines > Amoxicilline-acide clavulanique

Fig. 42



Le 1^e AB se ferme et le 2^e s'ouvre (Fig. 43).



Pénicillines > Pénicilline

Pénicillines > Amoxicilline-acide clavulanique

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode :  Reprendre les données générales de l'AB précédent : 

Tests de diffusion

Information

Charge: [input]

Méthode: [dropdown]

Directive: [dropdown]

Année: [dropdown]

Resultat

Diamètre: [=] [input]

Brut: [dropdown]

Expert: [dropdown]

Final: [dropdown]

Détermination de la CMI

Information

Méthode: [dropdown]

Directive: [dropdown]

Année: [dropdown]

Lot number: [input]



Soumettre : 

Fig. 43


De la même façon que le 1^e AB vous pouvez maintenant introduire le 2^e AB, puis les AB suivants. Si vous ne testez pas certains antibiotiques en routine, vous pouvez ne pas les compléter.

Parfois nous vous demandons de tester le ou les antibiotiques d'une certaine classe d'antibiotiques que vous testez en routine. Dans ce cas cette classe est reprise dans la liste des AB à tester. Cliquer sur la case à côté de cette classe et indiquer l'antibiotique voulu dans la liste déroulante (Fig. 44).

La figure ci-dessous montre l'exemple pour les « Carbapénèmes » avec « Ertapénème » comme AB de choix (Fig. 44). Cliquer ensuite sur  (« Ajouter antibiotique ») (Fig. 44).

Pénicillines > Pénicilline

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information

Charge : 14

Méthode : Autre (veuillez remplir la méthode dans le texte libre)

Directive : CLSI

Année : [dropdown]

Resultat

Diamètre : [= dropdown] [input]

Brut : [dropdown]

Expert : [dropdown]

Final : [dropdown]

Détermination de la CMI

Information

Méthode : [dropdown]

Directive : [dropdown]

Année : [dropdown]

Lot number : [input]


Resultat

Détermination de la CMI : [= dropdown] [input]

Brut : [dropdown]

Expert : [dropdown]

Final : [dropdown]


Soumettre : 


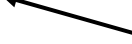
Pénicillines > Amoxicilline-acide clavulanique

Lincosamides > Clindamycine

Azoles antibactériennes > Métronidazole

Carbapénèmes > Ertapénème

Carbapénèmes > **Ertapénème** Ajouter Antibiotique : 

[dropdown] Ajouter Antibiotique :  

Imipénème

Méropénème


Doripénème


Fig. 44


L'antibiotique sélectionné s'ouvre alors de la même façon que les autres antibiotiques (Fig. 45).

Carbapénèmes > Ertapénème

Répondez-vous cette AB en routine ? Non Oui

Ajouter méthode : 

Reprendre les données générales de l'AB précédent : 

Supprimer antibiotique : 

Tests de diffusion

Information

Charge : [input]

Méthode : [dropdown]

Directive : [dropdown]

Année : [dropdown]

Resultat

Diamètre : [= dropdown] [input]

Brut : [dropdown]

Expert : [dropdown]

Final : [dropdown]

Détermination de la CMI

Information

Méthode : [dropdown]

Directive : [dropdown]

Année : [dropdown]

Lot number : [input]

Resultat

Détermination de la CMI : [= dropdown] [input]

Brut : [dropdown]

Expert : [dropdown]

Final : [dropdown]



Soumettre :  

Fig. 45

Vous pouvez évidemment tester plusieurs AB de la classe proposée. Si vous le souhaitez, il vous est possible de tester et de répondre d'autres AB, que nous n'avons pas proposés. A cette fin il suffit de cliquer sur la dernière case en bas de l'échantillon; une liste déroulante avec toutes les classes d'antibiotiques s'ouvre (Fig. 46).

Fig. 46


Après le choix de la classe; (les « Lincosamides » dans l'exemple (Fig. 47)), vous choisissez l'antibiotique (la « Clindamycine » dans l'exemple (Fig. 47)), vous cliquez sur l'icône  (« Ajouter antibiotique ») et tout s'effectue de la même manière que pour les autres antibiotiques.

Fig. 47


Le bouton avec la poubelle  (« Supprimer antibiotique ») vous permet à tout moment d'enlever les antibiotiques que vous avez ajoutés (Fig. 45, Fig. 48).

Fig. 48

De cette façon vous pouvez introduire les résultats des antibiogrammes pour tous les échantillons pour lesquels ils ont été demandés.



Le bouton  (« Reprendre les données générales de l'AB précédent ») (disponible à partir du 2^e antibiotique par échantillon) vous permet de transférer les données 'générales' du dernier antibiotique que vous avez introduit au suivant. Pour les « Tests de diffusion » il s'agit de la « Méthode », la « Directive » et l'« Année »; pour les « Déterminations de la CMI » de la « Méthode », la « Directive », l'« Année » et le « Numéro de lot » (Fig. 45, Fig. 49).


Fig. 49

Le bouton  (« Soumettre ») (Fig. 45) après chaque antibiotique vous permet d'effectuer des sauvegardes intermédiaires. Vous ne devez évidemment pas effectuer un sauvegarde après chaque antibiotique individuel, mais nous vous conseillons de le faire de temps en temps étant donné que le rapportage des résultats des antibiotiques est assez considérable et qu'il peut toujours se produire un problème qui cause la perte de votre connexion à l'internet; si vous n'avez pas effectué de sauvegarde intermédiaire vous perdez à ce moment toutes vos données et vous devez recommencer dès le début.

Le texte libre en dessous de « Remarque de l'antibiogramme » (Fig. 50) vous permet d'introduire des remarques, éclaircissements,...concernant les antibiogrammes dans leur totalité.

Remarques de l'antibiogramme:


Fig. 50


Après l'introduction de tous vos résultats, vous devez de toute façon cliquer une dernière fois sur le bouton  (« Soumettre ») (Fig. 51) afin de sauvegarder toutes vos données.

Retour aux identifications (*) :  *L'antibiogramme ne sera enregistré qu'après avoir cliqué sur soumettre. Soumettre : 

Fig. 51

Après avoir introduits tous vos résultats, il vous est possible de les imprimer; pour ce faire vous choisissez « Imprimer résultats » à la page d'accueil (Fig. 52).

Ensuite vous introduisez, à l'aide des listes déroulantes, l'enquête et l'échantillon. Ici aussi, vous pouvez choisir « Tous les échantillons de cette enquête » ou pour chaque échantillon individuellement. Cliquez ensuite sur  (« Soumettre »).

 **EKE/EEQ Toolkit**
 MICROBIOLOGIE | [Sélection du domaine](#) > Impression des résultats

Entrer résultats
Imprimer résultats


Imprimer résultats

Enquête

Echantillon

Fig. 52

A la page suivante vous pouvez consulter tous les résultats que vous avez introduits (par échantillon ou pour tous les échantillons de l'enquête) (Fig. 53).

 **EKE/EEQ Toolkit**
 MICROBIOLOGIE | [Sélection du domaine](#) > [Impression des résultats](#) > Microbiologie

Entrer résultats
Imprimer résultats

MICROBIOLOGIE > 2019/1
 Date d'enquête: **14/01/2019**
 Date de réception: **15/01/2019**
 Culture M/3001 (Hémoculture)

Hémocultures prélevées chez une femme de 83 ans alitée souffrant de diabète mellitus qui est transférée d'une maison de soin et de repos avec de la fièvre et de la confusion.
 Nous vous demandons de traiter l'échantillon comme en routine : répondre l'identification jusqu'au niveau où vous répondez en routine.

Cerme #1


Technique utilisée pour l'identification ?
Maldi-Tof


Identification?
Identification complète

Si identification complète
DECHLOROMONAS denitrificans

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Fig. 53

En bas de page vous avez la possibilité de créer un PDF  (“Exporter en PDF”) (Fig. 54) que vous pouvez sauvegarder et/ou imprimer.

Si vous souhaitez modifier un résultat, il vous est possible de retourner à la page d'introduction de résultats  (« Aller à l'introduction des résultats ») (Fig. 54). Il vous est toujours possible de modifier vos résultats tant que l'enquête n'est pas clôturée.

  **Fig. 54**



Si quelque chose n'était pas clair ou en cas de difficulté, n'hésitez pas à nous contacter via EQAtoolkit@eciensano.be.

Kris Vernelen
Coordinateur EEQ MSP
Qualité des Laboratoires
Sciensano